

- Il **sangue intero**, da cui verrà isolato il plasma impiegato per la purificazione degli acidi nucleici liberi circolanti (cfDNA/cfRNA), deve essere **raccolto** in **Helix cf-DNA Stabilization tubes** (Acquisto a carico dei reparti richiedenti)
- Per ciascun paziente sono richiesti 20 ml di sangue suddivisi in 2 provette Helix cf-DNA Stabilization tubes.
- I campioni biologici devono essere inviati il prima possibile a temperatura ambiente (entro e non oltre le 6 ore dal prelievo), presso l'Edificio 200/B "Preanalitica interdipartimentale" aperta 24 ore su 24, 7 giorni su 7.
- **Si prega di scrivere sulla busta la dicitura "Biopsia liquida".**

Ogni prelievo deve essere accompagnato:

- dall' Allegato 2 (Allegato n.2 – "Modulo per molecolare su biopsia liquida")
- dal "MODULO RICHIESTA PRESTAZIONI A FATTURAZIONE ATTIVA PAZIENTI AZIENDA USL TOSCANA NORD-OVEST/ALTRE AZIENDE SANITARIE/ALTRI ENTI"
- dal T.FE/PA148 "Modulo fatturazione elettronica" (da trasmettere solo al primo invio).

correttamente compilati in ogni sua parte

I codici presenti nella modulistica dedicata sono suddivisi in base alla patologia di interesse:

- **Tumore del polmone:** Codice **8904 91.30.7** (Test NGS per adenocarcinoma metastatico del polmone)
- **Colangiocarcinoma/vie biliari:** Codice **8905 91.30.8** (Analisi di sequenze geniche mediante sequenziamento massivo parallelo per colangiocarcinoma/carcinoma delle vie biliari avanzato,cito/istologicamente diagnosticato, suscettibile di trattamento sistemico)
- **Tumore del colon retto metastatico:** Codice **KGS042 G8.02** (Seq.gen. . ampio spettro x carcinoma del colon retto metastatico - suscettibile di trattamento farmacologico)
- **Tumore della mammella:** Codice **KGS076 G8.04** (Seq. gen. ampio spettro x carcinoma mammario avanzato hrd -suscettibile di trattamento farmacologico)
- **Richiesta per analisi molecolare gene singolo:** Codice **KGM193 G.1.01** (Analisi mutazionale di malattia che necessita di un solo gene per la diagnosi. sequenziamento ed eventuale metodica quantitativa, qualunque metodo)